

Fig.3 FRI-Splm-1229

- ①RCB0281 FRI-Splm-1229 Lot.4 :Result of distributed FRI-Splm-1229 cells (Lot.4)
- ②RCB0281 FRI-Splm-1229 TK :Result of FRI-Splm-1229 cells immediately after deposition
- ③COI sequence of *Mamestra brassicae*: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/nuccore/GQ892864.1>

```
① 1 TACATTATATTTTATTTTGGAAATTTGAGCAGGAATAGTAGGAACCTCATTAAAGTTTATTAATTCGAGCTGAATTAGGAAAACCTGGATCTTTAATTGGAGATGATCAAATTTATAATACTATTGTTACAGCTCATGCTTTTATTATAAT 150
② 1 TACATTATATTTTATTTTGGAAATTTGAGCAGGAATAGTAGGAACCTCATTAAAGTTTATTAATTCGAGCTGAATTAGGAAAACCTGGATCTTTAATTGGAGATGATCAAATTTATAATACTATTGTTACAGCTCATGCTTTTATTATAAT 150
③ 1 TACATTATATTTTATTTTGGAAATTTGAGCAGGAATAGTAGGAACCTCATTAAAGTTTATTAATTCGAGCTGAATTAGGAAAACCTGGATCTTTAATTGGAGATGATCAAATTTATAATACTATTGTTACAGCTCATGCTTTTATTATAAT 150

① 151 TTTTTTTATAGTTATACCTATTATAAATTGGAGGATTTGTTAATTGACTCGTTCATTAAAGTTAGGAGCCCCGTGATATAGCATTCCCTCGAATAAATAATATAAGTTTTTGACTTCTTCCTCCTTCTTTAACTCTTTTAATTTCAAGTAG 300
② 151 TTTTTTTATAGTTATACCTATTATAAATTGGAGGATTTGTTAATTGACTCGTTCATTAAAGTTAGGAGCCCCGTGATATAGCATTCCCTCGAATAAATAATATAAGTTTTTGACTTCTTCCTCCTTCTTTAACTCTTTTAATTTCAAGTAG 300
③ 151 TTTTTTTATAGTTATACCTATTATAAATTGGAGGATTTGTTAATTGACTCGTTCATTAAAGTTAGGAGCCCCGTGATATAGCATTCCCTCGAATAAATAATATAAGTTTTTGACTTCTTCCTCCTTCTTTAACTCTTTTAATTTCAAGTAG 300

① 301 AATCGTAGAAAATGGAGCAGGAACAGGATGAACAGTGTACCCCCACTTTTCATCTAATATTGCCCATGGAGGAAGTTCAGTAGATTAGCTATTTTTTCACTTCATTAGCTGGTATTTCTTCAATTCTAGGAGCTATTAATTTTATTAC 450
② 301 AATCGTAGAAAATGGAGCAGGAACAGGATGAACAGTGTACCCCCACTTTTCATCTAATATTGCCCATGGAGGAAGTTCAGTAGATTAGCTATTTTTTCACTTCATTAGCTGGTATTTCTTCAATTCTAGGAGCTATTAATTTTATTAC 450
③ 301 AATCGTAGAAAATGGAGCAGGAACAGGATGAACAGTGTACCCCCACTTTTCATCTAATATTGCCCATGGAGGAAGTTCAGTAGATTAGCTATTTTTTCACTTCATTAGCTGGTATTTCTTCAATTCTAGGAGCTATTAATTTTATTAC 450

① 451 TACAATTATTAATATACGATTAACAGTTTATCTTTTGATCAAATACCTTTATTCATTTGAGCTGTAGGAATTACTGCATTTTTATTATTATTATCTTTACCTGTATTAGCTGGAGCTATTACTATACTTTTAAACAGATCGAAATCTAAA 600
② 451 TACAATTATTAATATACGATTAACAGTTTATCTTTTGATCAAATACCTTTATTCATTTGAGCTGTAGGAATTACTGCATTTTTATTATTATTATCTTTACCTGTATTAGCTGGAGCTATTACTATACTTTTAAACAGATCGAAATCTAAA 600
③ 451 TACAATTATTAATATACGATTAACAGTTTATCTTTTGATCAAATACCTTTATTCATTTGAGCTGTAGGAATTACTGCATTTTTATTATTATTATCTTTACCTGTATTAGCTGGAGCTATTACTATACTTTTAAACAGATCGAAATCTAAA 600

① 601 TACATCTTTTTTTGACCCGTCAGGAGGAGGTGACCCAATCTTATACCAACATTTATTT 658
② 601 TACATCTTTTTTTGACCCGTCAGGAGGAGGTGACCCAATCTTATACCAACATTTATTT 658
③ 601 TACATCTTTTTTTGACCCGTCAGGAGGAGGTGACCCAATCTTATACCAACATTTATTT 658
```