

表1. ミトコンドリアPCR検査で動物種を同定できなかった細胞株26種61株についての、ミトコンドリアCOI遺伝子またはcytochrome b遺伝子のシーケンス解析結果

(1) COI遺伝子シーケンス解析結果

寄託者/樹立者が登録した動物名	細胞株名	NCBI ID*	一致率	A**/B***
チンパンジー	HSP-239	Pan troglodytes: KJ192907	98.0%	642 / 655
チンパンジー	HSP-250	Pan troglodytes: KJ192907	93.7%	614 / 655
コモンマーモセット	CMES40	Callithrix jacchus: NC_025586	100.0%	658 / 658
ツパイ	T-23	Tupaia belangeri: AJ421453	97.7%	643 / 658
アフリカゾウ	LACF-NaNal	Loxodonta africana: DQ316069	100.0%	658 / 658
アフリカゾウ	LACF-NaNalI	Loxodonta africana: DQ316069	100.0%	658 / 658
ミンク	Mv.1.Lu(NBL-7)	Neovison vison: AY377152	99.8%	657 / 658
ミンク	Mink	Neovison vison: AY377152	99.7%	656 / 658
ミンク	S+L-Mink	Neovison vison: AY377152	98.9%	648 / 655
ジャコウネズミ	SEP2	Suncus murinus: KM497424	100.0%	658 / 658
ステップレミング	LLKF	Lagurus lagurus: KF152989.1	99.1%	639 / 645
アフリカツメガエル	XTY	Xenopus laevis: NC_001573.1	99.4%	654 / 658
アフリカツメガエル	XTC-YF	Xenopus laevis: NC_001573.1	99.4%	654 / 658
アフリカツメガエル	A6	Xenopus laevis: HM102316	100.0%	639 / 639
アフリカツメガエル	A8	Xenopus laevis: HM102316	100.0%	639 / 639
アカハライモリ	CPN4B	Cynops pyrrhogaster: EU880313.1	96.5%	635 / 658
トウキョウサンショウウオ	HTUD1	Hynobius tokyoensis: HM036357	98.8%	650 / 658
ゼブラフィッシュ	BRF41	Danio rerio: NC_002333	100.0%	658 / 658
メダカ (CAB 系統)	OLCAB-e31	Oryzias latipes (Hd-rR) : AB498065	100.0%	658 / 658
メダカ (CAB 系統)	OLCAB-e3	Oryzias latipes (Hd-rR) : AB498065	100.0%	658 / 658
メダカ (H04C 系統)	OLHE-131	Oryzias latipes (Hd-rR) : AB498065	96.7%	637 / 659
メダカ (HB32 系統)	OLME-104	Oryzias latipes (系統記載なし) : NC_004387	99.5%	655 / 658
メダカ (Hd-rR 系統)	OLHdrR-e3	Oryzias latipes (Hd-rR) : AB498065	100.0%	658 / 658
メダカ (HNI 系統)	OLHNI-2	Oryzias latipes (HNI) : AB498066	100.0%	658 / 658
メダカ (系統記載なし)	DIT29	Oryzias latipes (Hd-rR) : AB498065	100.0%	658 / 658
メダカ (系統記載なし)	OLF-136	Oryzias latipes (系統記載なし) : NC_004387	99.4%	654 / 658

寄託者/樹立者が登録した動物名	細胞株名	NCBI ID*	一致率	A**/B***
キンギョ	GEM-81	Carassius auratus: KJ874430.1	100.0%	656 / 656
キンギョ	GEM-199	Carassius auratus: KJ874430.1	100.0%	658 / 658
キンギョ	GEM-218	Carassius auratus: KJ874430.1	100.0%	658 / 658
キンギョ	CAEP	Carassius auratus: KJ874430.1	100.0%	658 / 658
キンギョ	CAF	Carassius auratus: KJ874430.1	98.3%	651 / 662
マッドミノー	ULF-23	Umbra limi: NC_028282	100.0%	658 / 658
ティラピア	Hepa-T1	Oreochromis niloticus: GU238433.1	79.8%	524 / 657
		Anguilla japonica: AB038556.2	99.8%	657 / 658
ニホンウナギ	Hepa-E1	Anguilla japonica: AB038556.2	99.8%	657 / 658
キイロショウジョウバエ	S2 (Drosophila)	Drosophila melanogaster: U37541	99.8%	657 / 658
ナミアゲハ	NIAS-PX-58	Papilio xuthus: EU105377	100.0%	657 / 657
ナミアゲハ	NIAS-PX-64	Papilio xuthus: EU105377	100.0%	657 / 657
カイコガ	BM-N	Bombyx mori: AB070264	100.0%	658 / 658
カイコガ	BmN4-DR	Bombyx mori: AB070264	98.8%	647 / 655
カイコガ	BmN4-IR	Bombyx mori: AB070264	99.2%	649 / 654
ヨトウガ	SES-MaBr-1	Mamestra brassicae: GQ892864.1	99.8%	656 / 657
ヨトウガ	SES-MaBr-3	Mamestra brassicae: GQ892864.1	100.0%	657 / 657
ヨトウガ	SES-MaBr-4	Mamestra brassicae: GQ892864.1	100.0%	657 / 657
ヨトウガ	SES-MaBr-5	Mamestra brassicae: GQ892864.1	99.8%	656 / 657
ヨトウガ	NIAS-MB-25	Mamestra brassicae: GQ892864.1	99.8%	656 / 657
ヨトウガ	NIAS-MB-32	Mamestra brassicae: GQ892864.1	100.0%	657 / 657
ヨトウガ	NIAS-MaBr-92	Mamestra brassicae: GQ892864.1	100.0%	657 / 657
ヨトウガ	NIAS-MaBr-93	Mamestra brassicae: GQ892864.1	100.0%	657 / 657
ヨトウガ	MBHL-2	Mamestra brassicae: GQ892864.1	99.7%	655 / 657
ヨトウガ	MBHL-3	Mamestra brassicae: GQ892864.1	100.0%	657 / 657
アワヨトウ	NIAS-LeSe-11	Mythimna separata: HQ951047	100.0%	658 / 658
クワゴマダラヒトリ	FRI-SpIm-1229	Lemyra imparilis: 登録なし		
		Mamestra brassicae: GQ892864.1	99.7%	655 / 657
エンペラーガムモス	Ae	Opodiphthera eucalypti: KF522625.1	99.2%	652 / 657

NCBI ID* <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/nucleotide/> の次に表示されているID。データは2018年8月13日時点のもの。

A** NCBIの登録データと一致していた塩基数

B*** 解析対象とした塩基数

(2) COIシーケンスでは由来動物種を同定できなかった細胞株についてのcytchrome b遺伝子のシーケンス解析結果

寄託者/樹立者が登録した動物名	細胞株名	NCBI ID*	一致率	A**/B***
トノサマガエル属トノサマガエル種	LAH1	Pelophylax nigromaculatus: KT878718.1	74.5%	616 / 827
		Bufo japonicas formosus: AB713498	99.5%	827 / 831
トノサマガエル属トノサマガエル種	LAH2	Pelophylax nigromaculatus: KT878718.1	90.5%	506 / 559
		Pelophylax porosus brevipodus: AB980777.1	100.0%	559 / 559
トノサマガエル属ダルマガエル種ナゴヤダルマガエル亜種	LAH3	Pelophylax porosus brevipodus: AB980777.1	100.0%	559 / 559
カスミサンショウウオ	HNS1A	Hynobius nebulosus: AB266664.1	99.4%	1134 / 1141
カスミサンショウウオ	HNS2	Hynobius nebulosus: AB266664.1	99.2%	1132 / 1141
カスミサンショウウオ	HNS3	Hynobius nebulosus: AB266664.1	97.5%	1112 / 1141
カスミサンショウウオ	HNS4	Hynobius nebulosus: AB266664.1	93.6%	1068 / 1141
カスミサンショウウオ	HNS5	Hynobius nebulosus: AB266664.1	98.9%	1128 / 1141

* <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/nuccore/> の次に表示されているID。データは2018年8月13日時点のもの。

A** NCBIの登録データと一致していた塩基数

B*** 解析対象とした塩基数