

# 図5 LAH1 の Cytochrome b (cytb) 遺伝子のシーケンス (ヒキガエルの亜種を判別するために用いたcytb領域：図4参照)

- ① トノサマガエル属トノサマガエル種cytbシーケンス <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/nuccore/KT878718.1>
- ② RCB1733 LAH1 Lot.1 :LAH1提供細胞 (Lot.1) の実験結果 (トノサマガエル属トノサマガエル種として寄託)
- ③ RCB1733 LAH1 TK :寄託直後のLAH1細胞の実験結果
- ④ ヒキガエル属ニホンヒキガエル種アズマヒキガエル亜種cytbシーケンス <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/nuccore/AB713498>

```

① 1 ATCTGCATCTACCTCCACATGGCGGGGTTTACTATGGCTCCTCCTCTCAAAGAGACTGAAACATGGGGTATCTGTCTTCTGTCATAGCCACGGCTTTGTAGGCTAGTCTCTCCCCTGGGCAAAATGCTTTTCTGA 150
② 1 ATCTGCATCTACCTCCACATCGGACGAGGAATGTACTATGGCTCCTTCCCTATTCAAAGAGACTTGAATGTGGGGTTATTCTCCTATTCTGGTCATAGCCACAGCATTCTGTAGGCTACGTCCTCCCATGGGGACAAATGCTTTTCTGA 150
③ 1 ATCTGCATCTACCTCCACATCGGACGAGGAATGTACTATGGCTCCTTCCCTATTCAAAGAGACTTGAATGTGGGGTTATTCTCCTATTCTGGTCATAGCCACAGCATTCTGTAGGCTACGTCCTCCCATGGGGACAAATGCTTTTCTGA 150
④ 1 ATCTGCATCTACCTCCACATCGGACGAGGAATGTACTATGGCTCCTTCCCTATTCAAAGAGACTTGAATGTGGGGTTATTCTCCTATTCTGGTCATAGCCACAGCATTCTGTAGGCTACGTCCTCCCATGGGGACAAATGCTTTTCTGA 150

① 151 GGGGCAACCGTAATCACAAACCTTCTCTCTGCCGCCCTTACATTGGAACCGAAGCTTCAATGAATCTGAGGGGGCTTTTCGGTCGACAACGCAACTCTAACACGGTTTTTTCACATTTCACTTCATCTTACCATTTATCATTGCAGGC 300
② 151 GGGGCAACCGTAATCACAAACCTTCTCTCTGCCGCCCTTACATTGGAACCGAAGCTTCAATGAATCTGAGGGGGCTTTTCGGTCGACAACGCAACTCTAACACGGTTTTTTCACATTTCACTTCATCTTACCATTTATCATTGCAGGC 300
③ 151 GGGGCAACCGTAATCACAAACCTTCTCTCTGCCGCCCTTACATTGGAACCGAAGCTTCAATGAATCTGAGGGGGCTTTTCGGTCGACAACGCAACTCTAACACGGTTTTTTCACATTTCACTTCATCTTACCATTTATCATTGCAGGC 300
④ 151 GGGGCAACCGTAATCACAAACCTTCTCTCTGCCGCCCTTACATTGGAACCGAAGCTTCAATGAATCTGAGGGGGCTTTTCGGTCGACAACGCAACTCTAACACGGTTTTTTCACATTTCACTTCATCTTACCATTTATCATTGCAGGC 300

① 301 GCAGTATGATCCACCTACTCTTCTTCAACAAACGGGTCCTCTAACCCACAGGACTAAATCTAACCTAGATAGAGTCTCTTTCACCCCTACTTCTCATAAAGACCTCTCGGATTGTTATTATGTTAGGGCCCTAGCCCT 450
② 301 GCCTCTATACTTACCTCCTATTCTTACATCAAAACAGGATCCTCCAACCCGACAGGCCTTAACCCCAACTTCGACAAAGATCCCCCTCCACGCCCTACTACTCCTACAAAGACCTCTTGGTTTCGCAATTATGCTTCTCCTTGCCTC 450
③ 301 GCCTCTATACTTACCTCCTATTCTTACATCAAAACAGGATCCTCCAACCCGACAGGCCTTAACCCCAACTTCGACAAAGATCCCCCTCCACGCCCTACTACTCCTACAAAGACCTCTTGGTTTCGCAATTATGCTTCTCCTTGCCTC 450
④ 301 GCCTCTATACTTACCTCCTATTCTTACATCAAAACAGGATCCTCCAACCCGACAGGCCTTAACCCCAACTTCGACAAAGATCCCCCTCCACGCCCTACTACTCCTACAAAGACCTCTTGGTTTCGCAATTATGCTTCTCCTTGCCTC 450

① 451 CTCTCCACCTTCGCCCCAACCTGCTGGGAGCCAGACAAATTTACACCAGCAACCCACTGTTACACCACCACATCAAGCCAGAGTGATACTTCTTTTCGCTAGGCCATCCTTCGCTCAATCCCAACAAATAGGGGGGTC 600
② 451 TTGTCCACCTTCGCCCCAACCTCCTGGGTGATCCAGACAACCTTTACACCCGCCAACCCTAGTCAACCCACCACATCAAGCCAGAGTGATACTTCTTATTTCGCTTATGCCATCCTTCGCTCAATCCAAACAAACTGGGCGGAGTC 600
③ 451 TTGTCCACCTTCGCCCCAACCTCCTGGGTGATCCAGACAACCTTTACACCCGCCAACCCTAGTCAACCCACCACATCAAGCCAGAGTGATACTTCTTATTTCGCTTATGCCATCCTTCGCTCAATCCAAACAAACTGGGCGGAGTC 600
④ 451 TTGTCCACCTTCGCCCCAACCTCTGGGTGATCCAGACAACCTTTACACCCGCCAACCCTAGTCAACCCACCACATCAAGCCAGAGTGATACTTCTTATTTCGCTTATGCCATCCTTCGCTCAATCCAAACAAACTGGGCGGAGTC 600

① 601 CTGSCCTCCTCTCTCCTATGATAGTCTCTTCTGATGCCATATATCACACCTCTAAACCTGGGCTCCCTTATTTTCGCCCCAATGCCAAAAGCTTCTTGTAGCACTAATGGCCAAACAGGCATTCTGATGGATCGGGGGCAA 750
② 601 TTAGCTCTTTTATTCTCTATTATAATCCTATTCTCATGCCCTTCTCCACACCTCTAAACAACGAACCTTATGTTCCGGCCCTTGGCAAAACTCTTCTTTTGAACACTAGTAGCCAACACCCTCATTCTAACCTGAATCGGGGGTCAA 750
③ 601 TTAGCTCTTTTATTCTCTATTATAATCCTATTCTCATGCCCTTCTCCACACCTCTAAACAACGAACCTTATGTTCCGGCCCTTGGCAAAACTCTTCTTTTGAACACTAGTAGCCAACACCCTCATTCTAACCTGAATCGGGGGTCAA 750
④ 601 TTAGCTCTTTTATTCTCTATTATAATCCTATTCTCATGCCCTTCTCCACACCTCTAAACAACGAACCTTATGTTCCGGCCCTTGGCAAAACTCTTCTTTTGAACACTAGTAGCCAACACCCTCATTCTAACCTGAATCGGGGGTCAA 750

① 751 CCAGTAGAAGACCCATTGTCATAATTGGCCAACCTAGCCTCTATCTCCTACTTCTTAATCTTCTGCTCTTCTTATCCCATCA 831
② 751 CCAGTAGAAGACCCATTGTCATAATTGGCCAACCTAGCCTCTATCTCCTACTTCTTAATCTTCTATCTTTTATCCCCCTC 831
③ 751 CCAGTAGAAGACCCATTGTCATAATTGGCCAACCTAGCCTCTATCTCCTACTTCTTAATCTTCTATCTTTTATCCCCCTC 831
④ 751 CCAGTAGAAGACCCATTGTCATAATTGGCCAACCTAGCCTCTATCTCCTACTTCTTAATCTTCTATCTTTTATCCCCCTC 831

```